

ФИО пациента: ТЕСТ АНОНИМ АНОНИМ
Пол: ЖЕНСКИЙ
Дата рождения: 02/06/1998 Полных лет: 27
Заказчик: ОБРАЗЕЦ


№ заказа: ОБРАЗЕЦ

Исследование	Результат	Единицы	Референсный интервал
Генетика			
Биоматериал: Венозная кровь	Дата взятия биоматериала: 04/06/2025 08:25	Дата поступления в лабораторию: 05/06/2025	
<i>A27.30.070 Определение экспрессии мРНК BCR-ABLp190 (количественное)</i>			
Определение экспрессии мРНК BCR-ABLp190 (количество)	Обнаружен транскрипт p190 варианта e1a2 химерного гена BCRABL. Количество копийABL1 - 7332, количество копийBCR-ABL1 - 420. Количество по международной шкале (IS) - 7,243%. Уровень чувствительности Ig - 3,9.		Транскрипта p190 варианта e1a2 химического гена BCR-ABL1 обнаружено не было
У пациента был обнаружен химерный транскрипт BCR-ABL1 p190. Химерный транскрипт BCR-ABL1 e1a2, при котором точка разрыва локализуется в экзоне 1 гена BCR в minor breakpoint cluster region (m-bcr), кодирует цитоплазматический белок с молекулярной массой 190 кДа (p190). BCR-ABL1 представляет собой реципрокную транслокацию между хромосомами 9 и 22 t(9;22), которая лежит в основе молекулярного патогенеза хронического миелоидного лейкоза (ХМЛ) (95%), острого лимфобластного лейкоза (ОЛЛ) (35%) и острого миелоидного лейкоза (ОМЛ) (1%). Молекулярный мониторинг экспрессии BCR-ABL1 является обязательным аспектом контроля результатов лечения ХМЛ у пациентов, получающих терапию ингибиторами тирозинкиназы (ИТК). Уровень молекулярного ответа на ранних стадиях терапии позволяет прогнозировать прогрессию заболевания. Согласно текущим рекомендациям, результаты количественной оценки BCR-ABL1 должны быть выражены по Международной шкале (International Scale (IS)), которая аналогична используемой шкале в международном рандомизированном многоцентровом исследовании IRIS (International Randomized Study of Interferon versus ST1571). В ходе IRIS были определены основные параметры молекулярного ответа (MO) — базовая линия и большой молекулярный ответ (БМО). Базовая линия — это значение медианы экспрессии у первичных пациентов, а БМО — это уменьшение экспрессии BCR-ABL1 на 3 порядка от базовой линии. Исследование выполняется с помощью количественной ПЦР в режиме реального времени с обратной транскрипцией, которая оценивает количество копий мРНК BCR-ABL1, сравнивая с внутренним эталонным геном -ABL1. Оценку уровня экспрессии транскрипта BCR-ABL1 необходимо провести пациенту до начала терапии ингибиторами тирозинкиназы для определения базового уровня экспрессии BCR-ABL1. Далее молекулярный мониторинг пациента проводится каждые 3 месяца. Данный подход позволит оценить эффективность назначенной терапии и предсказать возможность развития рецидива. При получении результатов исследования рекомендуется консультация врача-онкогематолога.			

Исполнители: Образец О.Б.

Подпись исполнителя:

Дата выдачи результата: 25/07/2025

Печать организации