

ФИО пациента: ТЕСТ АНОНИМ АНОНИМ

Пол: ЖЕНСКИЙ

Дата рождения: 02/06/1998

Полных лет: 27

Референсная группа:

Заказчик: ОБРАЗЕЦ



№ заказа: ОБРАЗЕЦ

Исследование	Результат	Единицы	Референсный интервал
<b>Генетика</b>			
Биоматериал: Венозная кровь	Дата взятия биоматериала: 04/06/2025 08:25	Дата поступления в лабораторию: 05/06/2025	
<i>A27.30.069 Определение экспрессии мРНК BCR-ABLp210 (количественное)</i>			
Определение экспрессии мРНК BCR-ABLp210 (колич.)	Обнаружен химерный ген BCR-ABL1 p210. Количество копий ABL1 - 98735, количество копий BCR-ABL1 - 11351. Количество p210 по международной шкале (IS) - 14,544%. Уровень чувствительности Ig - 5,0.		Транскрипта p210 химерного гена BCR-ABL1 обнаружено не было
<p>У пациента был обнаружен химерный транскрипт BCR-ABL1 p210. Наиболее часто встречающимся химерным транскриптом BCR-ABL1 является p210, распространенность которого составляет более 95 %. Точки разрыва в гене BCR располагаются в major breakpoint cluster region (M-bcr) с формированием транскриптов e13a2 (b2a2) или e14a2 (b3a2), в результате которых образуется цитоплазматический белок с молекулярной массой 210 кДа (p210 transcripts, Mbcr). BCR-ABL1 представляет собой реципрокную транслокацию между хромосомами 9 и 22 t(9;22), которая лежит в основе молекулярного патогенеза хронического миелоидного лейкоза (ХМЛ) (95%), острого лимфобластного лейкоза (ОЛЛ) (35%) и острого миелоидного лейкоза (ОМЛ) (1%).</p> <p>Молекулярный мониторинг экспрессии BCR-ABL1 является обязательным аспектом контроля результатов лечения ХМЛ у пациентов, получающих терапию ингибиторами тирозинкиназы (ИТК). Уровень молекулярного ответа на ранних стадиях терапии позволяет прогнозировать прогрессию заболевания. Согласно текущим рекомендациям, результаты количественной оценки BCR-ABL1 должны быть выражены по Международной шкале (International Scale (IS)), которая аналогична используемой шкале в международном рандомизированном многоцентровом исследовании IRIS (International Randomized Study of Interferon versus STI571). В ходе IRIS были определены основные параметры молекулярного ответа (МО) — базовая линия и большой молекулярный ответ (БМО). Базовая линия — это значение медианы экспрессии у первичных пациентов, а БМО — это уменьшение экспрессии BCR-ABL на 3 порядка от базовой линии. Исследование выполняется с помощью количественной ПЦР в режиме реального времени с обратной транскрипцией, которая оценивает количество копий мРНК BCR-ABL, сравнивая с внутренним эталонным геном - ABL1.</p> <p>Оценку уровня экспрессии транскрипта BCR-ABL1 необходимо провести пациенту до начала терапии ингибиторами тирозинкиназы для определения базового уровня экспрессии BCR-ABL. Далее молекулярный мониторинг пациента проводится каждые 3 месяца. Данный подход позволит оценить эффективность назначенной терапии и предсказать возможность развития рецидива.</p> <p>При получении результатов исследования рекомендуется консультация врача-онкогематолога.</p>			

Исполнители: Образец О.Б.

Подпись исполнителя:

Дата выдачи результата: 05/06/2025

Печать организации