

ФИО пациента: ТЕСТ АНОНИМ АНОНИМ
Пол: ЖЕНСКИЙ
Дата рождения: 02/06/1998 Полных лет: 27
Заказчик: ОБРАЗЕЦ

Референсная группа:


№ заказа: ОБРАЗЕЦ

Исследование	Результат	Единицы	Референсный интервал
ГЕНЕТИКА			
Биоматериал: Венозная кровь	Дата взятия биоматериала:	Дата поступления в лабораторию:	
	04/06/2025 08:25	05/06/2025	
A27.30.069.000.01 Определение экспрессии мРНК BCR-ABLp230 (количественное)	Обнаружен транскрипт p230 химерного гена BCRABL1.	Количество копий BCR-ABL1 - 11671, количество копий BCR-ABL1 - 2806.	Транскрипта p230 варианта e19a2 химерного гена BCRABL1 обнаружено не было
Определение экспрессии мРНК BCR-ABL p230	Количество по международной шкале (IS)	- 30,408%.	
	Уровень чувствительности Ig -	4,1.	
У пациента был обнаружен химерный транскрипт BCR-ABL1 p230. Химерный транскрипт BCR-ABL1 e19a2 кодирует белок с молекулярной массой 230 кДа (p230). Точки разрыва локализуются в 19 экзоне в гене BCR в micro breakpoint cluster region (?-bcr). BCR-ABL1 представляет собой реципрокную транслокацию между хромосомами 9 и 22 t(9;22), которая лежит в основе молекулярного патогенеза хронического миелоидного лейкоза (ХМЛ) (95%), острого лимфобластного лейкоза (ОЛЛ) (35%) и острого миелоидного лейкоза (ОМЛ) (1%).			
Молекулярный мониторинг экспрессии BCR-ABL1 является обязательным аспектом контроля результатов лечения ХМЛ у пациентов, получающих терапию ингибиторами тирозинкиназы (ИТК). Уровень молекулярного ответа на ранних стадиях терапии позволяет прогнозировать прогрессию заболевания. Согласно текущим рекомендациям, результаты количественной оценки BCR-ABL1 должны быть выражены по Международной шкале (International Scale (IS)), которая аналогична используемой шкале в международном рандомизированном многоцентровом исследовании IRIS (International Randomized Study of Interferon versus ST1571). В ходе IRIS были определены основные параметры молекулярного ответа (МО) — базовая линия и большой молекулярный ответ (БМО). Базовая линия — это значение медианы экспрессии у первичных пациентов, а БМО — это уменьшение экспрессии BCR-ABL1 на 3 порядка от базовой линии. Исследование выполняется с помощью количественной ПЦР в режиме реального времени с обратной транскрипцией, которая оценивает количество копий мРНК BCR-ABL1, сравнивая с внутренним эталонным геном - чаще всего ABL1.			
Оценку уровня экспрессии транскрипта BCR-ABL1 необходимо провести пациенту до начала терапии ингибиторами тирозинкиназы для определения базового уровня экспрессии BCR-ABL. Далее молекулярный мониторинг пациента проводится каждые 3 месяца. Данный подход позволяет оценить эффективность назначенной терапии и предсказать возможность развития рецидива.			
При получении результатов исследования рекомендуется консультация врача-онкогематолога.			

Исполнители: Образец О.Б.

Подпись исполнителя:

Дата выдачи результата: 05/06/2025

Печать организации