

ФИО пациента: ТЕСТ АНОНИМ АНОНИМ
Пол: МУЖСКОЙ
Дата рождения: 02/06/2003 Полных лет: 22
Заказчик: ОБРАЗЕЦ

Референсная группа:



№ заказа: ОБРАЗЕЦ

Исследование	Результат	Единицы	Референсный интервал
ПЦР-ДИАГНОСТИКА ИНФЕКЦИЙ			
Биоматериал: Соскоб эпителиальных клеток из уретры	Дата взятия биоматериала: 04/06/2025 08:25	Дата поступления в лабораторию: 05/06/2025	
<i>A26.21.036.001.11 Андрофлор: определение ДНК возбудителей инфекций, передаваемых половым путем в отделяемом из уретры методом ПЦР</i>			
Андрофлор (соскоб из уретры)	см. вложенный файл*		

*В случае, если приложение не отображается – обратитесь на горячую линию Ситилаб: 8-800-100-36-30 (звонок бесплатный)

Исполнители: Образец О.Б.

Подпись исполнителя:

Дата выдачи результата: 05/06/2025

Печать организации

Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени

Андрофлор®



Дата 19.06.2025, 20:32:20
Номер пробики 132673074931
Ф.И.О. пациента ТЕСТ
Пол мужской
Возраст 22
Организация
Врач
Примечание

Идентификатор образца: 8906

№	Название исследования	Результат	
		Количественный	Относительный Lg(X/CВМО)
	Геномная ДНК человека	10 5.3	☐
1	Общая бактериальная масса	10 4.3	☐
Транзиторная микрофлора			
2	Lactobacillus spp.	не выявлено	☐
Нормофлора			
3	Staphylococcus spp.	не выявлено	
4	Streptococcus spp.	не выявлено	
5	Corynebacterium spp.	10 3.8	-0.3 (43-58%)
	Сумма: Нормофлора	10 3.8	-0.3 (43-58%)
УПМ, ассоциированные с баквагинозом			
6	Gardnerella vaginalis	не выявлено	☐
7	Megasphaera spp. / Veillonella spp. / Dialister spp.	не выявлено	☐
8	Sneathia spp. / Leptotrichia spp. / Fusobacterium spp.	не выявлено	☐
9	Ureaplasma urealyticum *	10 4.3	☒
10	Ureaplasma parvum *	не выявлено	☐
11	Mycoplasma hominis *	не выявлено	☐
12	Atopobium cluster	не выявлено	☐
	Сумма: УПМ, ассоциированные с баквагинозом	10 4.3	0.2 (85-100%)
УПМ анаэробы			
13	Bacteroides spp. / Porphyromonas spp. / Prevotella spp.	не выявлено	☐
14	Anaerococcus spp.	не выявлено	☐
15	Peptostreptococcus spp. / Parvimonas spp.	не выявлено	☐
16	Eubacterium spp.	не выявлено	☐
	Сумма: УПМ анаэробы	не выявлено	☐
УПМ Haemophilus spp.			
17	Haemophilus spp.	не выявлено	☐
УПМ Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp.			
18	Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp.	не выявлено	☐
УПМ Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.			
19	Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.	не выявлено	☐
Дрожжевые грибы			
20	Candida spp. *	ниже ПЗ ***	☐
Патогены			
21	Mycoplasma genitalium **	не выявлено	☐
22	Trichomonas vaginalis **	не выявлено	☐
23	Neisseria gonorrhoeae **	не выявлено	☐
24	Chlamydia trachomatis **	ОБНАРУЖЕНО	☒

* Абсолютный анализ Lg(X) ** Качественный анализ *** Ниже порогового значения

логарифмическая шкала Lg

Заключение

ОБНАРУЖЕНО: Chlamydia trachomatis.
Candida spp. ниже порогового значения.
Структура бактериального микробиома не соответствует норме: присутствуют патогенные и условно-патогенные микроорганизмы.

Исследование выполнил:

Дата:
Подпись:

Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени Андрофлор, АндрофлорСкрин

Описание бланка результатов

Исследование проводится методом полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. С целью этиологической диагностики инфекционно-воспалительных заболеваний мочеполовой системы мужчин в анализируемом биоматериале одновременно выполняют:

- определение наличия/отсутствия патогенов: *Neisseria gonorrhoeae*, *Chlamydia trachomatis*, *Mycoplasma genitalium*, *Trichomonas vaginalis*;
- количественную оценку всех бактерий (общая бактериальная масса - ОБМ), нормофлоры и условно-патогенных микроорганизмов; Термин "УПМ, ассоциированные с баквагинозом" используют для обозначения группы микроорганизмов, впервые выявленных у женщин. В настоящее время доказана роль этих микроорганизмов в развитии урогенитальных заболеваний у мужчин*.
- количественную оценку грибов рода *Candida*.

Количественные результаты исследования представлены в геном-эквивалентах (ГЭ), значения которых пропорциональны микробной обсемененности урогенитального биотопа. Абсолютные значения ГЭ приводятся в столбце бланка «Результаты. Количественный».

Относительные показатели представлены в столбце бланка «Результаты. Относительный» в двух форматах: в виде разницы абсолютных значений каждого из показателей и ОБМ (Lg10) и в процентах (%) от ОБМ. Значения показателей в процентах (%), традиционном формате для количественных данных, приведены справочно, однако в расчетном алгоритме заключения они не используются, суммировать проценты (%) некорректно.

Для дрожжеподобных грибов и микоплазм (*Ureaplasma urealyticum*, *Ureaplasma parvum*, *Mycoplasma hominis*) выдаются только абсолютные значения.

При формировании заключения используются показатели соотношений разных микроорганизмов/групп микроорганизмов с ОБМ и между собой, которые характеризуют состояние биоценоза.

Для удобства трактовки результатов** в таблице использована цветовая маркировка. В зависимости от измеряемого параметра маркеры обозначают следующее:

Контрольные показатели (геномная ДНК человека, общая бактериальная масса, транзиторная микрофлора):

- ☐ - соответствие критериям
- ☒ - не соответствие критериям

Нормофлора (сумма):

- ☒ - соответствие критериям нормы
- ☐ - умеренное отклонение от критериев нормы
- ☒ - выраженное отклонение от критериев нормы

УПМ и дрожжеподобные грибы:

- ☐ - соответствие критериям нормы
- ☐ - умеренное отклонение от критериев нормы
- ☒ - выраженное отклонение от критериев нормы

Патогены:

- ☐ - не выявлено
- ☒ - обнаружено

Результат, в котором значение показателя ОБМ ниже порогового значения сочетается со значением показателя «Геномная ДНК человека» выше порогового значения, трактуется как нормальное состояние микробиома. В этом случае цветовая маркировка в бланке результатов отсутствует.

Дополнительно с целью визуализации, результаты исследования представлены на гистограмме в процентном/логарифмическом форматах.

* Horner PJ et al. 2016 European guideline on the management of non-gonococcal urethritis. Int J STD AIDS, 2016 Oct;27(11):928-37.

** более подробно алгоритм трактовки результатов – на <http://www.dna-technology.ru>.